

Análisis molecular y epidemiológico de la presencia de virus de abeja (*Apis mellifera*) en Andalucía

Marina Vicente Rubiano

mvrubiano@hotmail.com

Coautor

Laura Espinosa Montalbán

Tutores

Ana de las Heras Sánchez. José Manuel Sánchez-Vizcaíno Rodríguez

Resumen: En los últimos años ha crecido la preocupación por el Síndrome de Despoblamiento de las Colmenas (SDC), fenómeno de probable origen multifactorial causado por distintos agentes entre los que destacan los virus.

El objetivo de este trabajo es estudiar la presencia de virus de abejas en la Comunidad Autónoma con mayor censo de colmenas, Andalucía, así como las condiciones sanitarias y de manejo que predominan en su producción.

Se realizó un muestreo en el que se analizó la presencia de 7 virus mediante técnicas moleculares. Se empleó SatScan v.9.1.1 para elaborar un análisis de agrupaciones en función de la carga viral. Así mismo, se realizó una encuesta epidemiológica en las colmenas muestreadas para analizar las condiciones productivas de las colmenas.

Se encontró la presencia de 4 virus, siendo el de mayor prevalencia (67%) el de realera negra (BQCV), seguido por el de alas deformadas (DWV) (26%), de la parálisis aguda israelí (13,54%) y de Kashmir (2%).

Destaca la detección IAPV, que ha sido relacionado con el SDC y cuyo análisis filogenético reveló similitudes con secuencias de Francia. El análisis de agrupaciones no mostró ninguna agrupación significativa.

En cuanto a la encuesta epidemiológica, se comprobó el predominio de prácticas de riesgo para la difusión de virus, como la trashumancia (94%), pese a lo cual se apreció un buen estado sanitario.

Este estudio ha evaluado la situación actual de la presencia de virus en Andalucía, describiendo las prevalencias virales y las condiciones sanitarias y de manejo de las colmenas.

Palabras clave: Síndrome de despoblamiento. Abejas. Virus. RT-PCR. Encuesta epidemiológica.

Investigación Aplicada
Comunicación Oral

Recibido: 23 marzo 2011.
Aceptado: 26 marzo 2011.